

## ⑤ 개체군의 유전

개체군의 유전  
Schema 2

## 유전자형 간 비율

집단 I에서 유전자형이 AA\*인 개체들을 A\*A\*인 개체들과 합쳐서 A의 빈도를 구하면  $\frac{3}{8}$ 이다.

대립유전자 A의 빈도는  $\frac{\text{특정 대립유전자의 수}}{\text{집단 내 특정 형질의 대립유전자 총 수}}$  이므로  $\frac{AA^*_N}{2 \times AA^*_N + 2 \times A^*A^*_N}$  과 동일하다.

이때  $\frac{3}{8}$  의 3과 8은 특정 대립유전자의 수와 전체 대립유전자 총 수간 비례관계를 나타내는 비례상수이므로 AA\* 개체수에 비례상수 3을 할당할 수 있다.

즉,  $\frac{3}{8} = \frac{3}{2 \times 3 + 2 \times A^*A^*_N}$  의 상황이므로 A\*A\*\_N에 비례상수 1이 할당된다.

$$\therefore AA^*_N : A^*A^*_N = 3 : 1$$

**[17 수능]** 집단 I에서 유전자형이 AA인 개체들을 A\*A\*인 개체들과 합쳐서 A의 빈도를 구하면  $\frac{5}{7}$ 이다.

대립유전자 A의 빈도는  $\frac{2 \times AA_N}{2 \times AA_N + 2 \times A^*A^*_N}$  와 동일하므로  $\frac{AA_N}{AA_N + A^*A^*_N}$  와 같다.

앞서 해제한 방식으로 AA\_N에 비례상수 5를 할당하면 A\*A\*\_N의 비례상수가 2로 결정된다

$$\therefore AA_N : A^*A^*_N = 5 : 2$$

## ⑤ 개체군의 유전

개체군의 유전  
Schema 3

## 멘델 집단들의 비율관계

앞서 해제한 것과 같이 여러 집단 중 멘델 집단을 판단해야 한다면 비멘델 집단을 통해 역으로 멘델 집단임을 판별하는 게 좀 더 편리하다.

이는 하디-바인베르크 평형이 유지되는 집단은

$p : q \Leftrightarrow p^2 : 2pq : q^2$ 의 비율관계를 모두 만족시켜야 하기 때문에

위 비율관계 중 하나라도 성립하지 않으면 멘델 집단이 아니라는 것을 단정적으로 생각할 수 있기 때문이다.

문제 내에서 멘델 집단만 제시되어 있는 경우 멘델 집단의 비율관계가 해제의 핵심으로 작용한다.

앞서

① 세 유전자형의 비율

② 두 유전자형의 빈도 에 대한 해제를 살펴보았고

실제 문제에서는 두 유전자형의 비율만 조건에 녹아있는 경우가 많다.

멘델 집단에서 두 유전자형의 비율이 주어지면 다음이 성립한다.

**[순종과 잡종의 비율]**

$2 \times (\text{순종의 빈도}) : (\text{잡종의 빈도}) \Rightarrow \text{대립유전자 빈도비}$

**[순종과 순종의 비율]**

$\sqrt{(\text{한 순종의 빈도})} : \sqrt{(\text{다른 순종의 빈도})} \Rightarrow \text{대립유전자 빈도비}$

개체군의 유전  
Schema 3

멘델 집단의 비율관계

**[논증]**

우성 대립유전자 D의 빈도를  $p$   
열성 대립유전자 d의 빈도를  $q$ 라 하자.

이때 멘델 집단은 다음의 빈도비를 만족시킨다.

유전자형 별 빈도		
DD의 빈도	DD*의 빈도	D*D*의 빈도
$p^2$	$2pq$	$q^2$

**[Case 1 - 순종 DD와 잡종 DD\*]**

DD의 빈도 : DD\*의 빈도 =  $p^2 : 2pq$  이므로  
DD의 빈도 : DD\*의 빈도 =  $p : 2q$  이고

$p : q \Rightarrow$  대립유전자 빈도비이므로  
 $2 \times (\text{DD의 빈도}) = \text{DD*의 빈도} \Rightarrow$  대립유전자 빈도비 이다.

**[Case 2 - 순종 D\*D\*와 잡종 DD\*]**

D\*D\*의 빈도 : DD\*의 빈도 =  $q^2 : 2pq$  이므로  
D\*D\*의 빈도 : DD\*의 빈도 =  $q : 2p$  이고

$p : q \Rightarrow$  대립유전자 빈도비이므로  
DD\*의 빈도 :  $2 \times \text{D*D*의 빈도} \Rightarrow$  대립유전자 빈도비 이다.

**[Case 3 - 순종 DD와 순종 D\*D\*]**

DD의 빈도 : D\*D\*의 빈도 =  $p^2 : q^2$  이고  
 $p : q \Rightarrow$  대립유전자 빈도비이므로  
 $\sqrt{(\text{한 순종의 빈도})} : \sqrt{(\text{다른 순종의 빈도})} \Rightarrow$  대립유전자 빈도비 이다.

**[논증 끝]**

$\therefore 2 \times (\text{순종의 빈도}) : (\text{잡종의 빈도}) \Rightarrow$  대립유전자 빈도비  
 $\therefore \sqrt{(\text{한 순종의 빈도})} : \sqrt{(\text{다른 순종의 빈도})} \Rightarrow$  대립유전자 빈도비

⑤ 개체군의 유전

개체군의 유전  
Schema 6

변형된 집단

[18 수능] I 과 II의 개체들을 모두 합쳐서 A의 빈도를 구하면 0.5이다.

[20 수능] (가)와 (나)의 개체들을 모두 합쳐서 갈색 꼬리털을 갖는 개체의 비율을 구하면 0.5이다.

집단의 개체들을 합쳐 새로운 집단을 형성한 후  
대립유전자의 빈도나 개체의 비율을 질문하기도 한다.

① 대립유전자의 빈도

어떤 동물 중 P로 구성된 집단에서 유전 형질 ①은 상염색체에 있는 대립유전자 A와 A\*에 의해 결정된다고 하자.

- ㉠ 두 집단의 대립유전자 빈도
- ㉡ 두 집단의 개체수비
- ㉢ 새로운 집단의 대립유전자 빈도

㉠~㉢ 중 두 가지를 알면 나머지 하나를 파악할 수 있다.

[17 9평] 멘델 집단 II의 ①을 나타내는 개체(A\*A\*)들 중 200개체를 제외한 나머지 개체들과, II의 ①을 나타내지 않는 개체(AA와 AA\*)들을 합쳐서 A의 빈도를 구하면 A의 빈도는 0.5이다.

	AA	AA*	A*A*	곱상수	A	A*
집단 II	4	12	9	$\times k$	2	3

㉠와 ㉢가 제시되어 있다.  
따라서 개체수에 대한 정보(곱상수)를 얻을 수 있다.

유전자형 간 비율이 모두 제시되어 있으므로  
대립유전자에 해당되는 비례상수 또한 구할 수 있다.

	AA	AA*	A*A*	곱상수	A	A*	
집단 I	4	12	9	$\times k$	2	3	
	A		A*		A	A*	
대립유전자	8+12		12+18		$\times k$	2	3

이때 A\*에 할당된 비례상수 30 중 10만큼을 제외해야  
A의 빈도 : A\*의 빈도 = 1 : 1을 만족할 수 있다.

	A	A*	곱상수	A	A*
변형된 집단	20	30-10=20	$\times k$	1	1

따라서 A\*A\* 개체에 할당된 비례상수 5 당 200 개체가 대응되고  
곱상수 k는  $\times 40$ 임을 알 수 있다

개체군의 유전  
Schema 6

변형된 집단

[17 9평 변형] 멘델 집단 II의 ㉠을 나타내는 개체(A\*A\*)들 중 500개체를 제외한 나머지 개체들과, II의 ㉡을 나타내지 않는 개체(AA와 AA\*)들을 합쳐서 A의 빈도를 구하면 A의 빈도는 0.4이다.

	AA	AA*	A*A*	곱상수	A	A*
집단 II	1	8	16	$\times k$	1	4

같은 방식으로 유전자형 간 비율이 모두 제시되어 있으므로  
대립유전자에 해당되는 비례상수를 나타내보자.

	AA	AA*	A*A*	곱상수	A	A*	
집단 II	1	8	16	$\times k$	1	4	
	A		A*		A	A*	
대립유전자	2+8		8+32		$\times k$	1	4

A\*에 할당된 비례상수 40 중 25만큼을 제외해야  
A의 빈도 : A\*의 빈도 = 2 : 3을 만족할 수 있다.

	A	A*		A	A*
변형된 집단	10	40-25=15	$\times k$	2	3

따라서 A\*A\* 개체에 할당된 비례상수 12.5 당 500 개체가 대응되며  
곱상수 k는  $\times 40$ 임을 알 수 있다.

개체군의 유전  
Schema 6

변형된 집단

**[논증]**

변형된 집단에서의 대립유전자 빈도를 일반화해보자.

집단 I에서 A의 빈도는  $\frac{a}{a+b}$ 이고 집단 II에서 A의 빈도는  $\frac{p}{p+q}$ 이다.

따라서 집단 I의 대립유전자 A의 개수는  $\frac{a}{a+b} \times k \times N$

집단 II의 대립유전자 A의 개수는  $\frac{p}{p+q} \times l \times N$ 로 둘 수 있고

(단,  $N$ 은 비례상수를 정량값으로 바꾸는 적절한 상수이다.)

두 집단을 합친 변형된 집단에서 대립유전자 A의 개수는

$\frac{a}{a+b} \times k \times N + \frac{p}{p+q} \times l \times N$ 이다.

$$\begin{aligned} \therefore \text{변형된 집단에서 대립유전자 A의 빈도} &= \frac{\frac{a}{a+b} \times k \times N + \frac{p}{p+q} \times l \times N}{(k+l) \times N} \\ &= \frac{\frac{a}{a+b} \times k + \frac{p}{p+q} \times l}{k+l} \end{aligned}$$

이때 다음이 성립한다.-



$A(x_1)$ ,  $B(x_2)$ 에 대해 선분 AB를  $m:n$ 으로 내분하는 점을  $P(x)$ 라고 하면

$x - x_1 : x_2 - x = m : n$  이므로  $x = \frac{mx_2 + nx_1}{m+n}$  이다.

즉, 변형된 집단에서 대립유전자 A의 빈도가

기하적으로  $\frac{p}{p+q}$ 와  $\frac{a}{a+b}$ 를  $k:l$ 로 내분하는 값이라는 것을 의미한다.

⑤ 개체군의 유전

개체군의 유전  
Schema 6

변형된 집단

[논증]

$$\begin{aligned} \therefore \text{변형된 집단에서 대립유전자 A의 빈도} &= \frac{\frac{a}{a+b} \times k \times N + \frac{p}{p+q} \times l \times N}{(k+l) \times N} \\ &= \frac{\frac{a}{a+b} \times k + \frac{p}{p+q} \times l}{k+l} \end{aligned}$$

이 과정에서  $p+q$  값과  $a+b$  값을 통일하는 게 상황을 해제하는 데 더 유용하다.

즉, 비교에 있어  $\frac{1}{3}$  과  $\frac{5}{6}$  의 1:2 내분점을 직접 정량값 공식으로 계산하는 것보다  $\frac{2}{6}$  와  $\frac{5}{6}$  와 같이 비교의 기준을 통일시킨 후 분자만 2:1 내분점을 계산하는 게 낫다.

이는 선분 상에서 2와 5를 1:2로 내분하는 지점은 3임을 떠올리기 더 직관적으로 용이하기 때문이다.

또한  $p+q$  값과  $a+b$  값을 통일하면 변형되기 전 집단에서 **공상수비가 개체수비**가 되어 개체수비와 대립유전자 빈도를 도출해야 하는 상황에 대해 일관되게 해제할 수 있다.

**공상수비 vs 개체수비**

공상수는 유전자형 간 비율을 매개하고, 개체수비는 집단 간 개체수의 비율을 의미한다.

[예시 - 공상수비 ≠ 개체수비 - 집단 II의 A\*A\*는 100마리]

	AA	AA*	A*A*	공상수 ≠ 개체수비	A	A*
	우성 형질		열성 형질			
I	1	4	4	×32	1	2
II	1	10	25	×4	1	5
변형된 집단 (I+II)					1	1

[예시 - p+q 값과 a+b 값 통일 - 공상수비 = 개체수비]

	AA	AA*	A*A*	공상수비 = 개체수비	A	A*
	우성 형질		열성 형질			
I	4	16	16	×8	2	4
II	1	10	25	×4	1	5
변형된 집단 (I+II)					1	1